

ANAIS

29 de Novembro a 02 de Dezembro de 2010

VI Congresso Brasileiro

de **Microbiologia**

BRASÍLIA – DF

Local: Edifício FINATEC – Campus Universitário Darcy Ribeiro-UnB

Realização:



Apoio:



ANAIS

VI CONGRESSO BRASILEIRO DE MICOLOGIA

Brasília, 29 de novembro a 02 de dezembro de 2010

Editores: José Carmine Dianese

Leila Terezinha Pereira dos Santos

Capa: Ponte JK –Brasília- DF

Layout: Leila Terezinha Pereira Dos Santos

Foto: Carlos Antonio Inácio

SOCIEDADE BRASILEIRA de MICOLOGIA

(SBMy)

R508

Metodologia para isolamento de DNA genômico e amplificação da região ITS do rDNA de espécies de *Phyllachora* a partir de material vegetal herborizado. Santos MDM, Fonseca MEN, Boiteux LS, Vale HMM, Dianese JC. Universidade de Brasília, Brasília, DF. maria@cnph.embrapa.br. [A method for genomic DNA isolation and amplification of the rDNA ITS region of *Phyllachora* species using herbarium samples]

A variabilidade da região ITS do rDNA de espécies de *Phyllachora* pode fornecer informações para elucidar as relações filogenéticas dentro deste gênero. A UnB dispõe atualmente de um acervo de mais de mil espécimes de *Phyllachora* herborizadas. Um dos obstáculos metodológicos tem sido a extração de DNA a partir desse tipo de material. No presente trabalho foi avaliado um método que consistiu de repetidos ciclos de lavagens dos pseudo-estromas em água. Essas estruturas foram, em seguida, cuidadosamente removidas das folhas herborizadas, visando minimizar a contaminação com tecido hospedeiro. A extração de DNA foi feita utilizando CTAB (2X) e solventes orgânicos. A avaliação foi feita com 40 amostras herborizadas de *Phyllachora* spp coletadas de 1993 a 2000 em diferentes hospedeiras. A amplificação via PCR foi feita com os 'primers' ITS4 e ITS5. A análise em gel mostrou um amplicon de 600 pb em 32 das 40 amostras tratadas. As mesmas 40 amostras herborizadas não tratadas não produziram amplicons após PCR. A falta de eficiência na obtenção de amplicons em materiais tratados não está associada ao tempo de herborização e sim ao seu estado de preservação. Foram observados sinais de degradação e oxidação nas oito amostras negativas. O método foi também eficiente com outras 40 amostras de material fresco.

R509

Micoteca da Universidade do Minho (MUM): Appraisal of the implemented Quality Management System based on ISO 9001:2008. Santos C, Simões MF, Martins A, Dias N, Lima N. Universidade do Minho, Braga. cledir.santos@deb.uminho.pt. [Micoteca da Universidade do Minho (MUM): Appraisal of the implemented Quality Management System based on ISO 9001:2008]

Micoteca da Universidade do Minho (MUM, www.micoteca.deb.uminho.pt/) is a fungal culture collection that was created in 1996 and is hosted by the Biological Engineering Research Centre which is a centre of excellence integrated in the Institute for Biotechnology and Bioengineering (IBB, www.ibb.pt/). It has been proving itself for more than one decade of work and services. The mission of MUM is: providing the highest quality services to its customers, collecting, maintaining and supplying fungal strains and their associated information for teaching and research in biotechnology and life sciences, and to be a centre of knowledge, information and training in mycology, operating at a global level and under national and international regulations. MUM intends to maintain its international status and to act in network with other collections. To better achieve this goal, MUM made a strategic decision to implement and maintain

a Quality Management System (QMS) based on ISO 9001:2008 and accordingly to OECD recommendations. QMS is in its final phase of implementation: processes were identified; a system was designed and is being used. The system performance was assessed through an internal audit, after which was held the QMS Review. All the system was evaluated: the effective dissemination of the quality policy, the achievement of objectives, processes measurements, the feedback of the costumers and the fulfillment of the requirements defined in the system documentation and in referenced standards. Quality plans were done in order to implement the necessary improvement measures, taking into account the commitment of MUM in valuing needs of its costumers and supplying high quality products and services.

R510

Perfil transcricional do fator conservado, *ryp1*, no fungo termodimórfico e patogênico humano *Paracoccidioides brasiliensis*. Peconick LDF, Teixeira MM, Derengowski LS, Felipe MSS, Fernandes L. Universidade de Brasília, Brasília, DF. lupeconick@gmail.com. [Ryp1 transcriptional evaluation on the thermo-dimorphic fungus *Paracoccidioides brasiliensis*]

O gene *ryp1* (Required for yeast phase growth) é um regulador transcricional que pertence a uma classe de proteínas fúngicas conservadas envolvidas na regulação de diferentes processos morfogênicos em resposta à sinais ambientais. Visando avaliar se o papel de *ryp1* é conservado entre os fungos termodimórficos, foi utilizado o método de quantificação relativa por PCR em tempo real para determinar os padrões transcricionais de *ryp1* em *Paracoccidioides brasiliensis* (Pb). Avaliou-se a expressão de *ryp1* durante o crescimento vegetativo (micélio e levedura), na transição dimórfica dependente de temperatura M-Y, durante a infecção ex-vivo de macrófagos murinos, na presença de um possível ferormônio e quando exposto à concentrações fisiológicas de estradiol. *Ryp1* foi identificado no banco de dados de três diferentes isolados de *P. brasiliensis*. As seqüências protéicas destacadas foram submetidas à análise in silico, que mostrou um alto nível de conservação dessa proteína entre os isolados de Pb e outros fungos termodimórficos. Os resultados obtidos nos experimentos de transição dimórfica corroboraram os dados prévios de *Histoplasma capsulatum* em que *ryp1* é mais expresso na fase leveduriforme do fungo. Além disso, *ryp1* respondeu positivamente a um possível ferormônio de Pb, o que sugere sua participação no processo de acasalamento. Interessantemente, *ryp1* sofreu modulação negativa após 9h de internalização em macrófagos, provavelmente devido ao estresse ambiental. Mediante a presença de estradiol, *ryp1* foi modulado negativamente após 2h de exposição. Os dados preliminares sugerem que *ryp1* de Pb responde a uma variedade de estímulos que culminam na ativação de diversos processos celulares, no entanto as vias de sinalização que são ativadas, ainda precisam ser elucidadas.

R511